{SenderName}

{SenderStreet}

{SenderCity}

Würzburg, den {Date}

**Untersuchungsbefund zu** **MZ{LaboratoryNumber} - *Endbefund***

|  |  |
| --- | --- |
| Labor-Nr. des NRZMHi: | MZ{LaboratoryNumber} |
| isoliert aus: | {SamplingLocation} |
| Datum der Materialentnahme: | {SamplingDate} |
| Datum des Materialeingangs: | {ReceivingDate} |
| Initialen / PLZ des Patienten: | {Patient} |
| Geburtsdatum des Patienten: | {PatientBirthDate} |
| Labor-Nr. des Einsenders: | {SenderLaboratoryNumber} |

**Untersuchungsergebnisse:**

|  |  |
| --- | --- |
| ***{#Typings*}{Attribute}:** | **{Value}{/*Typings*}** |

{#HasETests}**Antibiotikaempfindlichkeitstestung (Gradientenagardiffusion):**

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Antibiotikum** | **MHK** | **Grenzwerte nach EUCAST** | | | |
| **S** | | **R** | **gültig seit** |
| **{#ETests}{Antibiotic}** | **{Measurement} µg/ml, {Result}** | **≤{MicBreakpointSusceptible} µg/ml** | **>{MicBreakpointResistent} µg/ml** | | **{ValidFromYear}{/ETests}** |

{/HasETests}{#Report}{.}  
{/Report}

Mit freundlichen Grüßen

{Signer}

**Hinweis**: Ab dem 01.01.2019 wird die Feintypisierung der Isolate durch Genomsequenzierung ersetzt, welche innerhalb von 3 bis 4 Monaten nach Erhalt der Isolate durchgeführt wird. Die Daten hierzu werden in Jahresberichten dargestellt. Bei gehäuftem Auftreten der Erkrankung bitten wir um Rücksprache mit dem NRZMHi.{#HasComment}  
**Kommentar**: {Comment}{/HasComment}